
TP5 - Calculs de distances

Fonctions de base dans NetworkX (graphes non-orientés)

Tutoriel et documentation de NetworkX en ligne (en anglais).
Dans ce TP quelques fonctions de bases pourraient être utiles :

```
H=nx.Graph()           #crée un graphe
H.add_edge(0,1)        #ajoute une arête entre les sommets 0 et 1
H.add_edges_from([(3,0),(3,4)]) #ajoute les arêtes d'une liste donnée
H.add_node("toto")     #ajoute un sommet nommé "toto"
H.remove_node(s)       #supprime le sommet s
H.nodes                #sommets du graphe (attention, pour en faire
                        #une vraie liste Python, écrire: list(H.nodes))
H.edges                #arêtes du graphe (attention, pour en faire
                        #une vraie liste Python, écrire: list(H.edges))
H.edges(s)             #les arêtes qui touchent le sommet s

H.neighbors(s)         #un itérateur sur les voisins du sommet s dans H
                        #pour obtenir une liste, écrire: list(H.neighbors(s))
H.nodes[s]["attri"]    #accède à l'attribut nommé "attri" du sommet s
                        #(tant en lecture qu'en écriture)
                        #exemple: H.nodes[s]["attri"]=2
                        #ou alors print(H.nodes[s]["attri"])
```

Exercice 1 (Algorithme de Dijkstra - distances dans les graphes valués).

Dans cet exercice, on considère des graphes valués, c'est-à-dire que les arêtes possèdent un **poids** positif ou nul. La *distance* entre deux sommets est la plus petite somme des poids des arêtes parmi les chaînes qui relient les deux sommets. Ces poids sont représentés par l'attribut `weight` des arêtes du graphe dans la librairie `networkx` de Python. De plus, on crée un attribut `distance` pour les sommets qui représentera la distance à la source. Les distances sont d'abord toutes initialisées à `None` comme dans l'exemple ci-dessous :

```
#####
##Un graphe pour tester Dijkstra
#####
print("Un graphe pour tester Dijkstra")
G=nx.Graph()
G.add_nodes_from(["A","B","C","D","E","F","G","H","I","J"],distance=None)
print(G.nodes())
G.add_edges_from([("A", "B", {"weight": 4}),("A", "C", {"weight": 2}),
                  ("A", "E", {"weight": 1}),("B", "F", {"weight": 3}),
                  ("C", "G", {"weight": 1}),("C", "H", {"weight": 2}),
                  ("D", "H", {"weight": 1}),("E", "J", {"weight": 5}),
                  ("F", "I", {"weight": 2}),("I", "J", {"weight": 5}),
                  ("H", "J", {"weight": 6})])
print(G.edges())
#####

print(G.edges[("A","B")]["weight"])
print(G.nodes["A"]["distance"])
#####
```

On rappelle ci-dessous l'algorithme de Dijkstra qui calcule les distances à un sommet source donné :

Algorithme de Dijkstra pour le graphe G à partir du sommet source s

- L représentera la frontière. Contient initialement seulement s .
- La valeur de distance d est initialisée à $d(s)=0$ et à $d(v)=\infty$ pour chaque autre sommet v
- Une liste T contient les sommets qui ont été complètement traités. Initialement T est vide.
- Tant que L n'est pas vide :
 - * choisir un sommet v dans L qui a une valeur de distance $d(v)$ minimale
 - * pour tout voisin w de v qui n'est pas dans T :
 - si $d(v)$ plus le poids p de l'arête (v,w) est inférieur à $d(w)$, on fixe $d(w)=d(v)+p$
 - ajouter w à L
 - * enlever v de L , ajouter v à T

Implémentez l'algorithme en suivant les étapes suivantes :

1. Écrire une fonction `mise_a_jour_voisin(G,n,v)` qui met à jour la distance du sommet v à la source (v est supposé voisin de n dans le graphe G) à partir de celle du sommet n (en supposant que la distance du sommet n à la source est un nombre).
2. Écrire une fonction `choix_prochain_sommet(G,L)`, qui renvoie le sommet de la frontière L qui sera choisi pour la prochaine itération de l'algorithme de Dijkstra.
3. Écrire une fonction `Dijkstra(G,s)` qui détermine les distances entre le sommet s et tous les autres sommets dans le graphe valué G .

Exercice 2 (Algorithme de Floyd-Warshall - calcul de toutes les distances).

Coder et tester l'algorithme de Floyd-Warshall, rappelé ci-dessous :

Algorithme de Floyd-Warshall pour le graphe G

- Les sommets sont ordonnés : $s_1 \dots s_n$ avec n le nombre de sommets
- On initialise une matrice D de taille $n \times n$, où $D(i, j)$ devra contenir la distance entre le sommet s_i et le sommet s_j . Pour toute arête entre s_i et s_j de poids p_{ij} , on fixe $D(i, j) = p_{ij}$, et pour tout i on fixe $D(i, i) = 0$. Dans les autres cas, on fixe $D(i, j) = \infty$.
- Pour k allant de 1 à n :
 - Pour i allant de 1 à n :
 - Pour j allant de 1 à n :
$$D(i, j) = \min\{D(i, j), D(i, k) + D(k, j)\}$$
- Renvoyer D

Pourquoi n'est-t-il pas nécessaire de copier la matrice D à chaque étape? Vérifier que l'algorithme ne va pas écraser des données importantes en cours de route.